

MaP est une plateforme équipée en spectromètres de masse et techniques complémentaires pour un large spectre d'études. Elle conçoit et met en œuvre des techniques pour l'identification et la quantification de protéines, l'imagerie et la protéomique structurale. L'analyse de quelques petites molécules organiques est également réalisable.

NOS DOMAINES D'EXPERTISE



PROTÉOMIQUE



SPECTROMÉTRIE DE MASSE

NOS OFFRES DE PRESTATION

Caractérisation des protéines

- Identification par spectrométrie de masse et séquençage d'Edman
- Analyse des modifications post-traductionnelles par spectrométrie de masse
- Séquençage de novo par spectrométrie de masse et séquençage d'Edman

Découverte de biomarqueurs

- Analyse protéomique quantitative
- Recherche de biomarqueurs en oncologie, immunologie, etc.

Imagerie par spectrométrie de masse

MALDI-Imagerie : caractérisation de biomarqueurs in situ et distribution de médicaments dans les tissus

Complexomique et interactomique

- Approches biochimiques IP-MS, AP-MS, TaP-TaG-MS, APEX-MS et BirA-MS
- Interactions non covalentes par ESI-MS natif
- Caractérisation par échange H/D et MS

Chimioprotéomique

- Interactions non covalentes par ESI-MS natif
- Caractérisation par échange H/D et analyse MS/MS
- Analyse CETSA

Protéomique quantitative

- Quantification par marquage isobare, marquage métabolique et Label-Free
- Protéomique ciblée utilisant une approche de PRM
- Stœchiométrie de complexes supramoléculaires par séquençage d'Edman ou ESI-MS natif

Protéomique structurale

- Détermination de la masse globale des protéines par MALDI ou ESI en conditions natives ou dénaturantes
- Caractérisation des conformères par mobilité ionique MS
- Flexibilité et accessibilité aux solvants par échange H/D et analyse MS

NOS AUTRES LABELS, CERTIFICATIONS & RÉSEAUX



Marseille Protéomique (MaP)
27 Boulevard Lei Roure | 13273 Marseille
<https://plateformes-aix-marseille.univ-amu.fr/>

NOS ÉQUIPEMENTS



SPECTROMÈTRE DE MASSE ORBITRAP FUSION LUMOS

Microprotéomique, Protéomes complexes, Biomarqueurs et Modifications Post-Traductionnelles



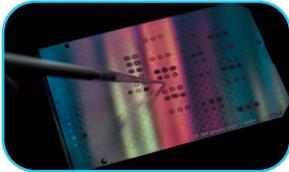
SPECTROMÈTRE DE MASSE Q-EXACTIVE PLUS

Complexomique et Interactomique



ROBOTISATION

Préparation des échantillons par l'utilisation de robot



SPECTROMÉTRIE DE MASSE MALDI

Analyse des protéines entières, Imagerie-MS



SÉPARATION DES PROTÉINES

Séparation des protéines par SDS-PAGE et Chromatographie



SPECTROMÈTRE DE MASSE Q-TOF SYNAPT G1

Protéomique structurale, mobilité ionique, échange H/D, interaction non-covalente

NOS DOMAINES D'APPLICATION



SANTÉ

- Identification des protéines
- Quantification des protéines
- Localisation des protéines
- Structure des protéines



ÉDUCATION

- Etude de l'ensemble des protéines d'un organisme (Protéome)
- Caractériser finement les protéines (modification)
- Comprendre les mécanismes moléculaires des fonctions cellulaires (Protéomique Fonctionnelle)
- Améliorer les connaissances de la biologie
- Détecter les Interactions moléculaires (Protéomique Structurale)



RECHERCHE

- Comprendre les maladies
- Découverte de biomarqueurs
- Médecine personnalisée
- Dépistage de maladies, suivi de leur évolution ou encore à l'évaluation de l'efficacité d'un traitement (protéomique ciblée)

NOS PARTENAIRES

IPSOMEDIC
Innovative Process Solutions

RÉPUBLIQUE FRANÇAISE
Liberté
Égalité
Fraternité

agence de l'eau
RHÔNE
MEDITERRANEE
CORSE

LATOXAN
LABORATORY
Natural Active Ingredients

ABSCIENCE

ImCheck
therapeutics

CONTACT MaP

👤 Dr Daniel Lafitte | Co-Directeur Scientifique
Luc Camoin | Responsable Opérationnel

✉ daniel.lafitte@univ-amu.fr
luc.camoin@inserm.fr

📍 27 Boulevard Leï Roure
13273 Marseille

🌐 <https://plateformes-aix-marseille.univ-amu.fr/>



LABEL
PLATEFORME
AIX-MARSEILLE

Un label porté par :

Aix-Marseille
université
Socialément engagé

CNRS

Inserm